

## КАРТИЦА НАСТАВНИКА И САРАДНИКА

<b>Име и презиме</b>	<b>Милана Грбић</b>
<b>Звање</b>	доцент
<b>Ужа научна област</b>	Информационе науке и биоинформатика (развој софтвера)
<b>Година посљедњег избора и институција гдје је избор добијен (универзитет, факултет)</b>	2020. Универзитет у Бањој Луци, Природно-математички факултет
<b>Датум ступања на рад у складу са стандардима за акредитацију (почетак рада на факултету, Универзитету)</b>	1. септембар 2013.
<b>Списак научноистраживачких пројеката у посљедњих пет година</b>	
<b>Р.б.</b>	
<b>1</b>	Развој метода вјештачке интелигенције за рјешавање проблема рачунарске биологије, Министарство за научнотехнолошки развој, високо образовање и информационо друштво, 2020-2021
<b>2</b>	Конфигурациони простори у дискретној геометрији, Министарство за научнотехнолошки развој, високо образовање и информационо друштво, 2020-2021
<b>3</b>	Развој и примјена метода комбинаторне оптимизације и метода машинског учења у биоинформатици, Министарство за научнотехнолошки развој, високо образовање и информационо друштво, 2019-2020
<b>4</b>	Тополошке и комбинаторне особине неких важних комплекса, Министарство за научнотехнолошки развој, високо образовање и информационо друштво, 2019-2020
<b>Најзначајнији објављени резултати у посљедњих пет година, систематизованих по категоризацији министарства (не више од 50)</b>	
<b>1.</b>	Djukanović, M., Kartelj, A., Matić, D., Grbić, M., Blum, C., & Raidl, G. R. (2022). Graph search and variable neighborhood search for finding constrained longest common subsequences in artificial and real gene sequences. <i>Applied Soft Computing</i> , 122, 108844.
<b>2.</b>	Nikolic, B., Kartelj, A., Djukanovic, M., Grbic, M., Blum, C., & Raidl, G. (2021). Solving the Longest Common Subsequence Problem Concerning Non-Uniform Distributions of Letters in Input Strings. <i>Mathematics</i> , 9(13), 1515.
<b>3.</b>	Kartelj A, Grbić M, Matić D, Filipović V, The Roman Domination Number of Some Special Classes of Graphs, 1-20, <i>Applicable Analysis and Discrete Mathematics</i> , 2021.
<b>4.</b>	Grbić, M, Matić, D, Kartelj A, Vračević S, Filipović V, "A three-phase method for identifying functionally related protein groups in weighted PPI networks", <i>Computational Biology and Chemistry</i> , 86, 107246, 2020
<b>5.</b>	M. Grbić, A. Kartelj, S. Janković, D. Matić and V. Filipović, "Variable neighborhood search for

	partitioning sparse biological networks into the maximum edge-weighted $k$ -plexes," <i>IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics</i> , 17(5) 1822-1831, 2019.
--	--